

山口大学の次世代シーケンス解析 RNA-seq 解析キャンペーン

2026年7月27日から2026年8月28日まで

2026年7月27日からサンプル受付

期間限定
キャンペーン

全mRNA解析がデータ解析を含めて

通常価格¥75,000

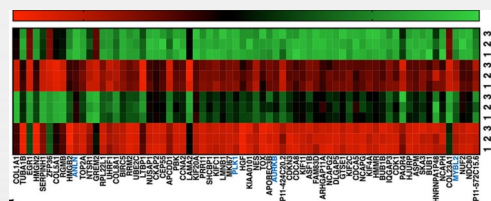
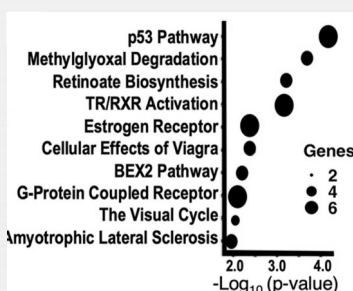
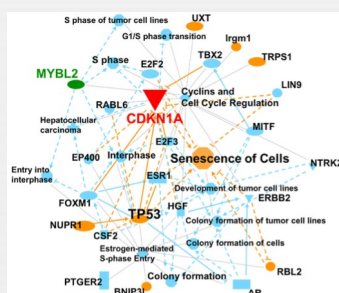
1サンプル ¥41,000 (税込)

RNA抽出から1次解析まで込み

全遺伝子発現を高精度に解析可能

標準4000万リード スプライシングまで解析可能

- ◆ データは直ぐに使用できるRPKMやTPMをエクセル形式で返却
- ◆ データに問題があれば無償で再解析致します
- ◆ Total RNA 10 ng または細胞10個から解析可能（必要数は細胞毎に異なります）サンプル量が多いほど精度良く解析できます
- ◆ 方向付けしたストランド特異的な発現解析で低発現まで高精度なデータを実現
- ◆ DNase処理でゲノムDNAのコンタミを除外
- ◆ RNA-seqの精度は相関係数0.995
- ◆ 分解している場合もrRNA除去RNA-seqで解析可能です（追加7,000円）
- ◆ サンプル毎に前処理やRNA抽出を至適化します。必ず事前に相談ください



Muto J. et al., Communications Biology, 2023.

ネットワーク解析

下流経路解析

ヒートマップ解析

データ返却はサンプル受取から2ヶ月以内

問い合わせ先 〒755-8505 山口県宇部市南小串1-1-1
山口大学 大学研究推進機構・遺伝子実験施設(担当 中谷・中川・水上)
TEL : 0836-22-2184 E-mail : cgryu@yamaguchi-u.ac.jp

まずはメールか電話でご相談ください